

SUPPLEMENTARY TABLES

Table S1 - Software and tools used for Transcriptomic analysis

<i>Software and tools</i>	<i>Ref.</i>
<i>FASTQC</i>	27
<i>MultiQC</i>	28
<i>fastp</i>	29
<i>GENCODE</i>	30
<i>STAR</i>	31
<i>SAMtools</i>	32
<i>UMI-tools</i>	33
<i>QualiMap2</i>	34
<i>featureCounts</i>	35
<i>DESeq2</i>	36
<i>tidyverse</i>	37
<i>R & RStudio</i>	38
<i>VennDiagram</i>	39
<i>GGally</i>	40
<i>ggpointdensity</i>	41
<i>ggrepel</i>	42
<i>pheatmap</i>	43
<i>EnhancedVolcano</i>	44
<i>ggupset</i>	45
<i>Enrichr</i>	46
<i>Gene Ontology</i>	47
<i>KEGG</i>	48